

CAS STNext® 独自の配列検索 Biosequences Search

Biosequences Search は、CAS STNext 独自の配列検索機能です。特許、雑誌、NCBI 由来の膨大な配列コンテンツを対象に、BLAST、CDR、Motif 配列検索プログラムから検索できます。配列情報と共に配列の由来である文献や特許情報もまとめて効率的に確認できます。

BLAST 配列検索結果一覧

絞り込みやソート機能が充実

アライメント概要

Sequence Alignment	Sequence Length	Alignment Identity %	Query Identity %	Subject Identity %	Number of Documents
[Red bar]	260	100.00	100.00	100.00	8
[Red bar]	231	100.00	88.85	100.00	10
[Red bar]	232	100.00	88.85	99.57	6
[Red bar]	230	100.00	88.46	100.00	0
[Red bar]	260	99.23	99.23	99.23	1
[Red bar]	232	99.13	88.08	98.71	1
[Yellow bar]	208	92.31	73.85	92.31	1
[Yellow bar]	208	91.35	73.08	91.35	0
[Green bar]	297	88.02	81.92	71.72	0

配列検索結果の詳細画面

アライメントではコードの一致・不一致をカラーで区別

配列の由来となる文献や特許情報

配列長や CAS RN® などヒットした配列の詳細

タブを切り替えて、配列に関する詳細情報を確認できます

Sequence Alignment: 208, 92.31, 73.85, 92.31, 1

Alignment: Patents (0) Journals (1) Subject

1 journal found. Get All Accession Numbers Get All PubMed IDs

1 of 1

Coordinate gene expression of the $\alpha 3$, $\alpha 4$, and $\alpha 5$ chains of collagen type IV. Evidence from a canine model of X-linked nephritis with a COL4A5 gene mutation

Author Name: Thorne, Paul S.; Zheng, Keqin; Kalluri, Raghuram; Jacobs, Robert; Hudson, Billy G.

Accession Number: 1996:347019

PubMed ID: 8662866

Source: Journal of Biological Chemistry, 271(12):7043-7048, 1996

Canine X-linked hereditary nephritis is an animal model of human X-linked hereditary nephritis. The authors used this model to study the expression of the $\alpha 3$ (IV), $\alpha 4$ (IV), and $\alpha 5$ (IV) chains of collagen type IV. By Northern analysis, transcripts for the normal and affected male dog kidney RNA. As previously reported, the $\alpha 3$ (IV) and $\alpha 4$ (IV) transcripts were both coordinately expressed in the three basement membrane regions of the glomerulus. Unexpectedly, the $\alpha 3$ (IV) and $\alpha 4$ (IV) transcripts were both coordinately expressed in the three basement membrane regions of the glomerulus. In contrast, the $\alpha 5$ (IV) transcript was not detectable in any of the three basement membrane regions. In addition to the protein assembly level.

Sequence Length: 208 aa

CAS Registry Number®: 177934-83-7

GenBank Accession No.: AAC48586, U50936

Organism: Canis lupus familiaris

Sequence: 1 HSQTDGEPTC PAQMPRLWTG YSLLYEQGE KAHNQDLGL... 51 PFAYCNIHQV CHYARRNDRS YWLASAAPL MMLSEEEIT... 101 APAPVVALHS QDRSIPPCPR SWRSLWTGYS FLMTGAGDQ GGGQALMSPG... 151 SCLEDFRAAP FLECGRQGT CHFFANEYSF WLTTVRPDLQ FSSASPDTL... 201 KESQAQRQ



配列コンテンツ概要

以下の収録源から集めた膨大な配列コンテンツを対象に、配列検索を実行できます。

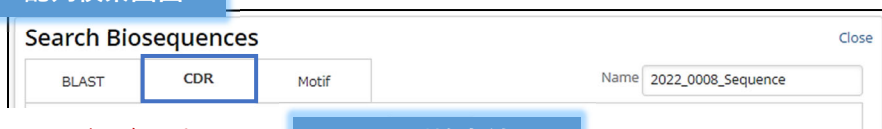
内容
CAS が独自のルールに従い収集した特許・雑誌由来の配列
7つの主要特許発行機関 (US, EP, WO, CA, KR, JP, CN) の特許を中心に抽出した配列
NCBI 由来の配列



充実した配列検索プログラム

目的に応じて BLAST, CDR, Motif 配列検索プログラムから検索できます。プログラムに応じた入力画面になります。BLAST, Motif 配列検索ではご自身でパラメータを変更することが可能です。

CDR 配列検索画面



最大 3 配列入力できます

CDR 配列検索結果

CDR Matching
 CDR 1 (19K) CDR 2 (6,413)
 CDR 3 (1,937)
 Overlaps: 13K, 5,010, 0, 257, 1,093, 310, 277

Biosequence Search Results (20000)
 Sort By: Alignment Identity %: Descending

Sequence Alignment	Sequence Length	Alignment Identity %	Query Identity %	Subject Identity %	Number of Documents
107	107	100.00	100.00	25.23	11

Alignment: Patents (11) Journals (0) Subject

Query: CDR 1, CDR 2, CDR 3

Subject: 107 aa

Query: 1 RASQGI RNYLA 11
 RASQGI RNYLA
 Subject: 24 RASQGI RNYLA 34

CDR 配列検索は
ベン図で絞り込めます

プログラム	内容
BLAST 配列検索	局所的に類似した配列を検索するプログラム
CDR 配列検索	抗体と T 細胞受容体の CDR を指定し、検索するプログラム
Motif 配列検索	DNA, RNA タンパク質中の短いパターン配列を検索するプログラム



検索結果のダウンロード

配列のアライメントと一緒に配列に関する詳細情報を Excel 形式でダウンロードでき、検索結果の確認作業を効率的に行えます。

特許由来の配列の場合、特許番号や配列 ID も含まれます